

L'utilisation des données de génomique en sélection : est-ce à la portée de toutes les espèces ?

Mardi 03 septembre

13h30 > 18h00

Exposés

Salle de conférence de l'ITEIPMAI, Domaine de la Vesc, 26740 Montboucher-sur-Jabron

- **Développement de la Sélection Assistée par Marqueurs moléculaires chez le fraisier**, Aurélie Petit, CIREF
- **Cartographie de QTL pour la résistance au flétrissement bactérien chez l'aubergine à partir de données de génotypage par séquençage**, Sylvia Salgon, Takii France (présentation de travaux réalisés à l'INRA-GAFL dans le cadre d'une thèse soutenue en 2017)
- **Utilisation des données de génomique en sélection chez le bananier**, CIRAD
- **Développement et utilisation des outils moléculaires pour la création variétale chez des espèces orphelines (lavande et autres lamiacées)**, Berline Fopa-Fomeju, ITEIPMAI
- **Moderniser les schémas de sélection : des opportunités pour tous**, Michel Ragot, Nouvelle France Genetics

(ordre des exposés et titres provisoires)

Diner à Montélimar (~20h)

Mercredi 04 septembre

8h30 > 12h30

Visites de stations d'expérimentations / essais recherche et production

ITEIPMAI et à proximité

- Visite de la station **ITEIPMAI** (plantes à parfum, médicinales et aromatiques) et de parcelles d'expérimentation pour la création variétale et l'amélioration d'itinéraires techniques
- Présentation de **TOP semences** (bulbes potagers) et visite du laboratoire de triage de plants d'ail
- Présentation de **INRA/CEP Innovation** (espèces fruitières) et visite de vergers d'abricotiers pour la création variétale (*visite dépendante de la météo*)