

Sélection assistée par marqueurs (SAM)

Optimisez votre processus de création variétale

Vegenov développe des outils de biologie moléculaire pour vous aider à :

Accélérer le retour au fond génétique récurrent

Accélérer l'introggression de caractères d'intérêt

- ◆ **Recherche de marqueurs moléculaires** du fond génétique ou liés à des régions génomiques contrôlant des caractères d'intérêt ;
- ◆ **Etude de la diversité de vos ressources génétiques** permettant d'optimiser le choix des meilleurs géniteurs à croiser ;
- ◆ **Criblage de vos descendances en cours de sélection**, à un stade de développement très précoce, avec des marqueurs du fond génétique et/ou des marqueurs liés à des loci d'intérêt (gènes majeurs ou QTL).

Liste des espèces pour lesquelles nous proposons des marqueurs en routine :



Alliums
CMS



Piment/Poivron
TMV-L3, Xcv, TSWV



Melon
Aphis gossypii



Asperge
Déterminisme sexuel (super-mâle)



Blé
Cécidomyie, Piétin verse, Nanisme, Mosaïque du blé (SBMV), alternativité



Tomate
Fol 0-1, RKN, TSWV, ToMV, Verticillium



Pois potager
PEMV



Prunus
Auto-fertilité, Sharka, Puceron vert, Oïdium, Xap



Colza
Rfo



Riz
Résistance aux herbicides



Nous pouvons également développer de nouveaux marqueurs pour répondre à vos besoins



Nos prestations de R&D sont éligibles au CIR

Charlotte Roby – Chargée de projets en Amélioration des Plantes

robby@vegenov.com - Tel : +33 (0) 2 98 29 06 44